

Online-Appendix

Molekulargenetik und Molekularpathologie beim Prostatakarzinom

Omlin A, Pratsinis M, Stoll S, Riniker S, Hess Soom J, Förbs D, Padberg Sgier B, Azzarello-Burri S, Rothermundt C

Übersichtsartikel • doi:10.4414/smf.2022.08858

Swiss Med Forum. 2022;22(1–2):28–34.

Tabelle S1: Häufigkeit von Keimbahnmutationen und somatischen Mutationen beim metastasierten Prostatakarzinom.

Gen	Keimbahnmutation	Somatische Mutation
<i>BRCA2</i>	5–6%	8–9%
<i>BRCA1</i>	1–2%	1–2%
<i>ATM</i>	1–2%	5–6%
<i>CHEK2</i>	2%	2–3%
<i>HOXB13</i>	2–4%	2–4%
<i>PALB2</i>	0,5%	1%
<i>MSH2, MLH1, MSH6, PMS2, EPCAM</i>	1–2%	2–3%
<i>CDK12, FANCA, RAD51D, BARD1, BRIP1, CHEK1, PPP2R2A, RAD51B, RAD51C, RAD54L</i>	Selten ($\leq 1\%$)	selten ($\leq 1\%$)